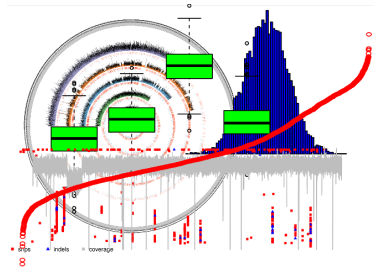


Curso de preparación de librerías metagenómicas y de amplicones para Illumina® MiSeq

Servicio de Secuenciación y Bioinformática de FISABIO

19-21 de Abril 2016



GENERALITAT
VALENCIANA



Fundación para el Fomento de la
Investigación Sanitaria y Biomédica
de la Comunitat Valenciana

illumina®

Presentación del curso

FISABIO (Fundación para el Fomento de la Investigación Sanitaria y Biomédica de la Comunitat Valenciana) es una fundación de investigación del sector público sanitario valenciano que incluye en su estructura un Servicio de Secuenciación y Bioinformática. Una de las misiones del servicio es proporcionar formación en disciplinas relacionadas con la secuenciación masiva y la bioinformática. En este marco, el *Servicio de Secuenciación y Bioinformática de FISABIO*, en colaboración con *Illumina*[®] presenta el:

Curso de preparación de librerías metagenómicas y de amplicones para Illumina[®] MiSeq.

La secuenciación masiva se ha afirmado en todas las prácticas de la moderna ecología microbiana. Uno de los pasos que, sin necesidad de adquisición de grandes infraestructuras de secuenciación está al alcance de la mayoría de los laboratorios, es la preparación de las librerías. Este curso pretende enseñar de manera práctica las bases de la construcción de dichas librerías para dos modalidades de secuenciación:

- Preparación de librerías metagenómicas mediante método Nextera[®] XT;
- Preparación de librerías de amplicones para la secuenciación del gen ribosomal *16S rDNA*.

El curso cubrirá también los pasos básicos de análisis de datos incluyendo:

- Control de calidad de las secuencias;
- Búsqueda de quimeras;
- Anotación taxonómica;
- Anotación funcional.

El curso será totalmente práctico dando la posibilidad a cada estudiante de preparar su librería según la tipología de muestra en la que está interesado/a. Para ello el curso está limitado a **15** estudiantes.

El curso tendrá lugar en las fechas: **19-21 de Abril del 2016** en las instalaciones de FISABIO, *Avenida de Cataluña 21, 46020, Valencia*.

Las clases serán impartidas **en castellano** por investigadores de FISABIO (el personal del curso también puede atender en Catalán, Inglés, Francés e Italiano.).

Profesores

- *Dra. Lluçia Martínez Priego*
 - Responsable del Servicio de Secuenciación de FISABIO
- *Loreto Ferrús*
 - Técnico de laboratorio de FISABIO
- *Paula Corell*
 - Técnico de laboratorio de FISABIO
- *Dr. Giuseppe D'Auria*
 - Coordinador del Servicio de Secuenciación y Bioinformática de FISABIO
- *Dra. Esther Castillo*
 - Library Prep Specialist. Illumina[®] Productos de España.

Infomación

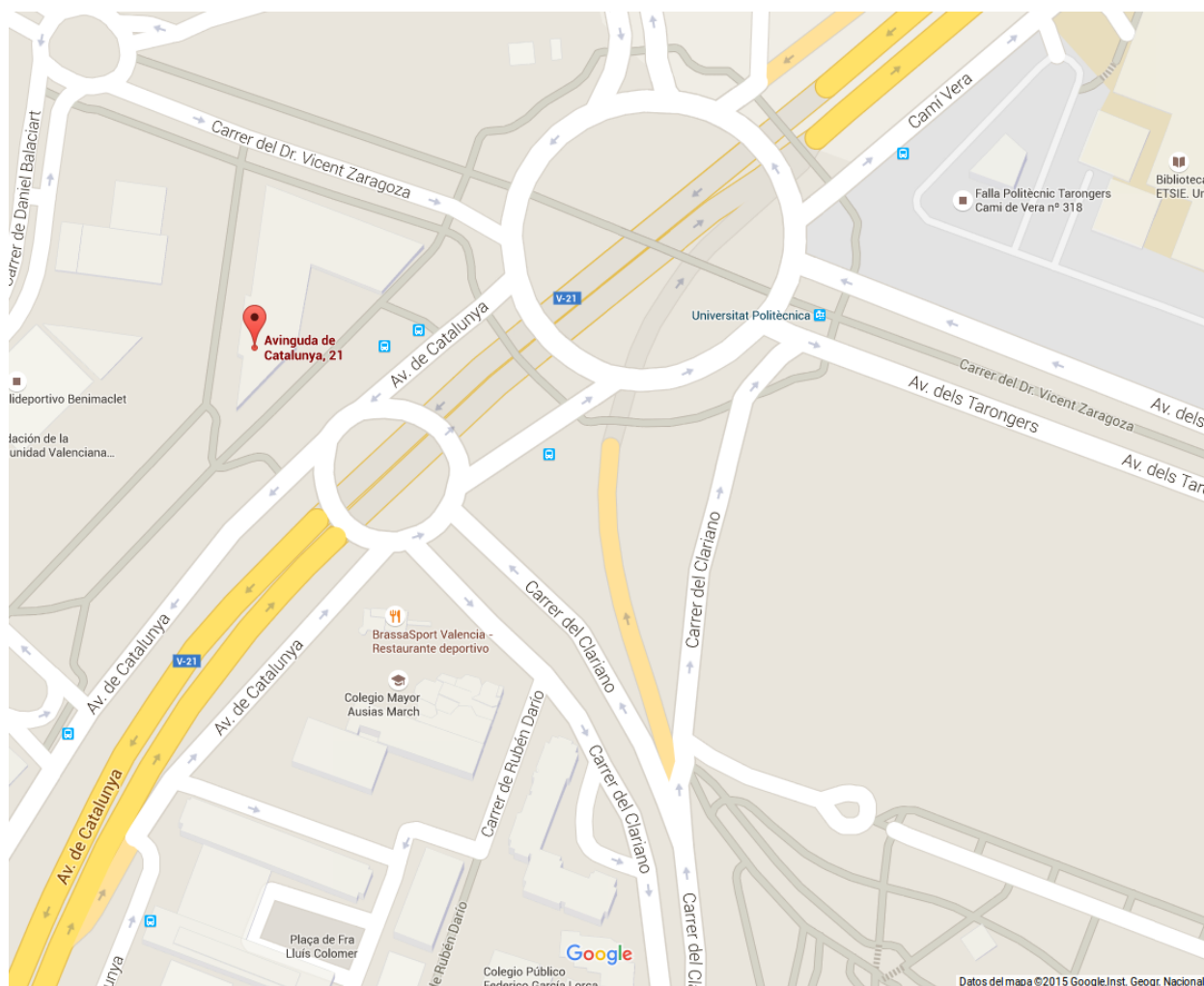
Precio de la matrícula:

- Organismos públicos: 650 Euros.
- Organismos privados: 750 Euros.

Inscripciones: [Formulario de inscripción](#)

Fecha límite para las inscripciones: 31/03/2016

Lugar: Fundación para el Fomento de la Investigación Biomédica de la Comunitat Valenciana, Salud Pública - FISABIO-SP, [Avenida de Catalunya 21, 46020, Valencia](#)



Idioma oficial: Español. El personal del curso también puede atender en Catalán, Inglés, Francés e Italiano.

Más información:

- mail: Kevin Cifuentes: cifuentes_kev@gva.es
- tel: **+34 961 925911**

Programa del curso

Día 1: Introducción y preparación librerías

Esther Castillo, Giuseppe D'Auria, Lluvia Martinez

- 09:00 - 10:00 Introducción a la Metagenómica
- 10:00 - 10:45 Introducción a la Secuenciación masiva
- 10:45 - 11:15 Aplicaciones NGS en Microbiología

Coffe Break

- 11:45 - 13:45 Medida de concentraciones por Qubit[®]

Comida

- 15:30 - 17:00 Normalización de las muestras

Día 2: Preparación librerías Nextera[®] XT

Esther Castillo, Lluvia Martinez, Loreto Ferrús, Paula Corell

- 09:00 - 11:00 Preparación de librerías

Coffe Break

- 11:30 - 13:30 Indexado y limpieza

Comida

- 15:00 - 17:00 Determinación de calidad de las librerías

Día 3: Análisis de datos y carrera de secuenciación

Esther Castillo, Lluvia Martinez, Loreto Ferrús, Paula Corell, Giuseppe D'Auria

- 09:00 - 11:00 Normalización de las librerías

Coffe Break

- 11:30 - 12:30 Carga de las librerías en el secuenciador MiSeq
- 12.30 - 13.30 Introducción al análisis de secuencias, control de calidad

Comida

- 15:00 - 16:30 Filtrado de secuencias (rRNAs, tRNAs, ORFs)
- 15:00 - 17:30 Anotación taxonómica y funcional