

**FICHA INFORMATIVA SOBRE EL GRUPO DE INVESTIGACIÓN/PROYECTO**  
(Máximo 1 página)

<b>DENOMINACIÓN DEL GRUPO DE INVESTIGACIÓN</b>
Epidemiología Molecular
<b>RESPONSABLE</b>
Fernando González Candelas
<b>EMAIL DE CONTACTO DEL GRUPO</b>
<a href="mailto:fernando.gonzalez@uv.es">fernando.gonzalez@uv.es</a>
<b>DESCRIPCIÓN DEL GRUPO DE INVESTIGACIÓN</b>
<p>Somos un grupo de investigación radicado en FISABIO - Salud Pública estrechamente vinculado a la Universidad de Valencia a través de la Unidad Mixta de Investigación "Infección y Salud Pública". Nuestro trabajo se sitúa en la interfaz entre la investigación básica, en la que nos interesa especialmente la evolución molecular y genética de poblaciones de microorganismos patógenos, y la aplicada, en la que trasladamos el conocimiento adquirido sobre la variabilidad genética de estos organismos a la resolución de problemas y ampliar nuestro conocimiento sobre su epidemiología. En general, nos interesa el estudio de brotes, como el de hepatitis C de Valencia o caso Maeso, pero también de otros patógenos que no han trascendido a la opinión pública, como muchos brotes nosocomiales de virus y bacterias. Por otra parte, estamos poniendo en marcha un programa de vigilancia epidemiológica de las resistencias a antibióticos mediante la secuenciación masiva de aislados bacterianos, introduciendo en nuestro país los métodos recomendados por organizaciones como el ECDC.</p>
<b>LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN/ PROYECTO</b>
<p>Nuestras principales líneas de investigación son las siguientes:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- Análisis de genomas completos de bacterias resistentes a antibióticos.</li> <li>- Análisis de genomas completos de bacterias causantes de infecciones de transmisión sexual (<i>N. gonorrhoeae</i>, <i>C. trachomatis</i>, <i>T. pallidum</i>).</li> <li>- Estudio de brotes nosocomiales mediante secuenciación masiva.</li> <li>- Microbiología forense, especialmente transmisiones de virus (VIH, VHC,...)</li> <li>- Vigilancia epidemiológica molecular de <i>Legionella pneumophila</i>.</li> <li>- Integración de la epidemiología molecular en los sistemas de información de la DGSP.</li> </ul>
<b>FORMACIÓN DEL CANDIDATO REQUERIDA</b>
<ul style="list-style-type: none"> <li>- Graduado/a en CC. Biológicas, Medicina, Farmacia, Biotecnología, Bioquímica o similares.</li> <li>- Conocimiento de técnicas de Biología molecular, incluyendo la secuenciación de ácidos nucleicos, así como el análisis de secuencias.</li> <li>- Se valorarán conocimientos de Bioinformática y acreditación de nivel de inglés.</li> </ul>